

РОЛЬ ПОЛИМОРФИЗМА GLY482SER ГЕНА PPARGC1A У ЖЕНЩИН ДЕТОРОДНОГО ВОЗРАСТА С МЕТАБОЛИЧЕСКИ ОСЛОЖНЕННЫМ ОЖИРЕНИЕМ

Р.К.Дадабаева

Ташкентская медицинская академия, Ташкент, Узбекистан

Актуальность. Население с ожирением в мире достигло 700 млн человек и продолжает неуклонно увеличиваться (Я.Р.Тимашева и соавт., 2021). Увеличение распространенности ожирения, в том числе у женщин фертильного возраста, связывают с действием внешних и поведенческих факторов, что приводит к стигматизации людей с ожирением, поскольку их проблемы считают обусловленными неправильным образом жизни, характером питания и другими управляемыми факторами. Тем не менее установлено существование наследственной предрасположенности к ожирению, которая носит выраженный полигенный характер. К развитию ожирения могут приводить мутации, оказывающие значительный эффект на энергетический обмен и отложение жира, однако у большинства пациентов они не выявляются.

Цель исследования – изучение роли Gly482Ser полиморфизма гена PPARGC1A у женщин детородного возраста узбекской популяции с метаболически осложненным ожирением.

Материал и методы исследования. Исследование проводилось в 2019-2022 годы с участием 133 женщин фертильного возраста узбекской национальности, с диагнозом “Ожирение”, проживающих в г.Ташкенте

В исследовании участвовали женщины от 15 до 49 лет, с ИМТ \geq 30 кг/м², ОТ>80 см, АГ I-II степени, с инсулинорезистентностью. Были изучены антропометрические показатели кўрсаткичлари (ИМТ, ОТ, ОБ, ОТ/ОБ). Контрольную группу составили 45 практически здоровых женщин-добровольцев, не страдающих ожирением.

Результаты и обсуждение. При изучении GlyGly, GlySer и SerSer генотипов Gly482Ser полиморфизм гена PPARGC1A в 1-группе, распространенность составила 33,1, 39,8 и 27,1% соответственно. А в контрольной группе генотипы данного полиморфизма составили 53,3% - в виде GlyGly, 35,6% - в виде GlySer и 11,1% - в виде SerSer. Если в этой группе Gly аллель встречалась в 53,0%, Ser - в 47,0%, то в контрольной группе Gly встречалась в 71,1% и Ser в 28,9% случаев. У женщин контрольной группы Gly аллели встречались в 2,2 раза чаще чем у



представительниц 1-группы, что указывает о достоверной протективности данного аллеля в отношении развития МОО ($\chi^2 = 8,3$; OR=0,5; CI 95% - 0,274-0,767; $p=0,004$). Ser аллели в группе МОО встречались также в 2,2 раза достоверно чаще чем во 2-группе, что указывает на достоверную агрессивность Ser аллелей в отношении развития МОО ($\chi^2=9,3$; OR=2,2; CI 95%-1,303-3,654; $p=0,003$). GlyGly-генотип в группе ожирения встречался в 2,3 раза больше по сравнению с контрольной группой, что достоверно указывает на то, что данный генотип имеет достоверно протективные свойства ($\chi^2=5,7$; OR=0,4; CI 95% - 0,217-0,861; $p=0,017$). А разница показателей GlySer-генотипа в обеих группах была не достоверной (1,2 раза) ($\chi^2 = 0,3$; OR=1,2; CI 95%- 0,595-2,423; $p=0,6$).

SerSer-генотип в группе МОО превосходил таковые контрольной группы в 3 раза, что указывает достоверной агрессивности генотипа SerSer в развитии МОО ($\chi^2 = 5,4$; OR=3,0; CI 95%- 1,086 -8,114; $p=0,021$).

Заключение. При изучении Gly482Ser полиморфизма гена PPARGC1A у женщин детородного возраста узбекской популяции с метаболически осложненным ожирением установлено, что в развитии МОО агрессивностью обладают Gly и Ser аллели, а также SerSer-генотип.

