



ЗНАЧЕНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА GLY482SER ГЕНА PPARGC1A У ЖЕНЩИН С МЕТАБОЛИЧЕСКИ ЗДОРОВЫМ ОЖИРЕНИЕМ

Р.К.Дадабаева

Ташкентская медицинская академия, Ташкент, Узбекистан

Актуальность.: *Увеличение распространенности ожирения, в том числе у женщин фертильного возраста, связывают с действием внешних и поведенческих факторов, что приводит к стигматизации людей с ожирением, поскольку их проблемы считают обусловленными неправильным образом жизни, характером питания и другими управляемыми факторами. Тем не менее установлено существование наследственной предрасположенности к ожирению, которая носит выраженный полигенный характер. К развитию ожирения могут приводить мутации, оказывающие значительный эффект на энергетический обмен и отложение жира, однако у большинства пациентов они не выявляются.*

Цель исследования : *изучение роли Gly482Ser полиморфизма гена PPARGC1A у женщин детородного возраста узбекской популяции с метаболически здоровым ожирением.*

Материал и методы исследования. Исследование проводилось в 2019-2022 годы с участием 91 женщин фертильного возраста узбекской национальности, с диагнозом “Ожирение”, проживающих в г.Ташкенте

В исследовании участвовали женщины от 15 до 49 лет, с ИМТ ≥ 30 кг/м², ОТ > 80 см, АГ I-II степени, с инсулинорезистентностью. Были изучены антропометрические показатели кўрсаткичлари (ИМТ, ОТ, ОБ, ОТ/ОБ). Контрольную группу составили 45 практически здоровых женщин-добровольцев, не страдающих ожирением.

Результаты и обсуждение. При изучении GlyGly, GlySer и SerSer генотипов Gly482Ser полиморфизм гена PPARGC1A в группе МЗО, распространенность Gly аллели составила 64,8%, что на 1,1 раз больше чем в группе контроля ($\chi^2=0,8$; OR=0,9; $p<0,36$). В этой же группе распространенность Ser аллели составила 35,2% и вероятность обнаружения данных аллелей была в 1,3 больше чем в контрольной группе ($\chi^2=0,83$; OR=1,3; $p=0,4$).

Генотип GlyGly в группе МЗО была распространена в 1,3 раза больше, чем в контрольной группе ($\chi^2=1,0$; OR=0,8; $p=0,32$). Также различия в распространенности GlySer генотипа в обеих группах была не достоверной ($\chi^2=0,09$; OR=1,1; $p=0,77$).

Генотип SerSer встречался в 1,7 чаще, что указывает его патогенетической значимости в группе ожирения ($\chi^2=1,5$; OR=1,7; $p=0,22$).

Заключение. На основании полученных результатов было установлено, что Gly482Ser полиморфизм гена PPARGC1A, а точнее Gly аллели и генотипы GlyGly в группе контроля встречаются в 1,1 и 1,3 раза чаще, соответственно, Ser аллели и генотип



SerSer в группе МЗО распространены в 1,3 и 1,7 раза чаще, чем в во второй группе. В отношении повышения ИМТ, это указывает на протективность первых аллелей и генотипа, а также на агрессивность вторых аллелей и генотипа.